

## 東亞族群糖尿病 致病基因現蹤

台灣新生報

作者：【記者鍾佩芳／台北報導】 | 台灣新生報

2012年3月29日 上午 12:08

跨國合作研究發現東亞族群糖尿病致病關鍵基因，該跨國研究找到八個為東亞族群共有的第二型糖尿病相關的基因。

其中 GLIS3 是一個和胰腺  $\beta$  細胞發育和胰島素表現有關的一個基因，另外 KCNK16 可能是調控血糖胰島素分泌的一個基因，兩者對血糖濃度和胰島素的代謝平衡至關重要。中研院生醫所教授鄔哲源昨（二十八）日表示，一般人體主要經由胰腺  $\beta$  細胞對升高的血糖濃度增加相應的胰島素分泌。當進餐後血糖水平升高時胰島素分泌隨之升高，而空腹時胰島素分泌受抑制。

由中央研究院陳垣崇院士及鄔哲源教授、中國醫藥大學蔡輔仁研發長及台灣大學莊立民教授率領之研究團隊所參與的「亞洲遺傳流行病學聯盟」（Asia Genetic Epidemiology Network, AGEN）之第二型糖尿病統合分析研究，日前以超過五萬人的基因資料為研究基礎，運用國科會生技醫藥國家型科技計畫（NRPB）項下「遺傳醫學轉譯資源中心」及生技類核心設施平台維運計畫（NCFPB（補助之「國家基因體醫學研究中心」）的技術諮詢及服務，發現東亞族群特有的第二型糖尿病相關基因。

該項跨國研究採用一萬八八一七人的全基因體掃描資料，再以一萬四一七人的基因資料電腦驗證，最後在二萬五四五六人的基因樣本進行全新之驗證三步驟方法找到八個為東亞族群共有的第二型糖尿病相關的基因。研究結果為東亞族群第二型糖尿病提出了基因上新的見解，更提供未來生技醫藥和轉譯醫學的具體研究標的。

研究成果已於二〇一二年一月刊登於國際重量級期刊自然遺傳期刊（Nature Genetics）。